MVZ für Laboratoriumsmedizin und Mikrobiologie Koblenz - Mittelrhein
Dr. med. Dipl.-Chem. Rüdiger Walscheid
Laboratoriumsmedizin • Mikrobiologie • Infektionsepidemiologie • Bluttransfusionswesen • Hämostaseologie
Viktoriastraße 35-39 • 56068 Koblenz • Tel.: 0261 30405-0 • Fax: 0261 30405-944 • www.labor-koblenz.de

Untersuchungsauftrag genetische Analysen für Hämato-Onkologie

Patientendaten:

Name, Vorname: _____

Geburtsdatum: _____ Geschlecht: m ☐ w ☐ d ☐

Adresse: _____

_____

Barcode

☐ **EILT**

Telefonnummer: _____ Datum der Materialentnahme: _____

Ansprechpartner: _____ Uhrzeit der Materialentnahme: _____

Eingesendetes Material:

☐ **KM-Aspirat mit** ☐ Li-Heparin ☐ EDTA
☐ **Peripheres Blut mit** ☐ Li-Heparin ☐ EDTA

Benötigtes Untersuchungsmaterial (bei normaler Zellularität):

Chromosomenanalyse:	5 ml **Li-Heparin**-Knochenmark in Ausnahmefällen Li-Heparin-Blut **kein** EDTA/Citrat
FISH:	10 ml **EDTA/Li-Heparin**-Knochenmark und/oder Blut
Molekulargenetik:	10 ml **EDTA/Li-Heparin**-Knochenmark und/oder Blut
Probenstabilität:	36 Stunden
Materialentnahme:	montags-freitags (Fremdversand: werktags bis 15 Uhr)

Bitte um klinische Angaben, um eine spezifische Befundung zu gewährleisten:

☐ Gesicherte Diagnose **oder** ☐ V.a. / Ausschluss

_____

_____

_____

MVZ für Laboratoriumsmedizin und Mikrobiologie Koblenz - Mittelrhein
Dr. med. Dipl.-Chem. Rüdiger Walscheid
Laboratoriumsmedizin • Mikrobiologie • Infektionsepidemiologie • Bluttransfusionswesen • Hämostaseologie
Viktoriastraße 35-39 • 56068 Koblenz • Tel.: 0261 30405-0 • Fax: 0261 30405-944 • www.labor-koblenz.de

Untersuchungsauftrag genetische Analysen für Hämato-Onkologie

Humangenetische Untersuchungen

(Einwilligungserklärung nach **GenDG § 8** erforderlich, **siehe Seite 6**)

☐ DPYD

Genetische Analysen für die Hämato-Onkologie

(Einwilligungserklärung für hämatologische Fragestellungen erforderlich, **siehe Seite 5**)

☐ Cytogenetik/Chromosomenanalyse *

Gen-Panels (Genumfang der Panels siehe Seite 3 und 4)

☐ AML-DNA-Panel inkl. Translokationen
☐ Aplastische Anämie-Panel *
☐ CMML-Panel *(diagnostisch/prognostisch)*
☐ CMML-Prognose-Panel
☐ ET-Prognose-Panel
☐ MDS-Panel
☐ MPN-Triple negativ-Panel
☐ Multiples Myelom-Panel
☐ Neoplasie mit Eosinophilie-Panel inkl. Prognose
☐ PMF-Prognose-Panel
☐ PV-Prognose-Panel

Translokationen Nachweis/Ausschluss

☐ BCR::ABL *bei (V.a.) CML, B-ALL, zum Ausschluss aCML, CMML, MPN*
☐ BCR::ABL Mutationsanalyse *(V.a.) TKI Resistenz*
☐ CBFB::MYH11 *bei (V.a.) AML*
☐ DEK-NUP214 *bei (V.a.) AML*
☐ FGFR1-Tranlokationen *bei (V.a.) Myeloische Neoplasie mit 'Eosinophilie, zum Ausschluss CMML, aCML, CNL*
☐ KMT2A::MLLT3 (MLL::MLLT3) *bei (V.a.) AML*
☐ KMT2A (MLL)-Translokationen (sonstige) *bei (V.a.) AML*
☐ PCM1::JAK2 *bei (V.a.) Myeloische Neoplasie mit Eosinophilie, zum Ausschluss CMML, aCML, CNL*
☐ PDGFRA::FIP1L1 *bei (V.a.) Myeloische Neoplasie mit Eosinophilie, zum Ausschluss CMML, aCML, CNL*
☐ PDGFRA-Translokationen *bei (V.a.) Myeloische Neoplasie mit Eosinophilie, zum Ausschluss CMML, aCML,CNL*
☐ PDGFRB-Translokationen *bei (V.a.) Myeloische Neoplasie mit Eosinophilie, zum Ausschluss CMML, aCML, CNL*
☐ PML:: RARA bei (V.a.) AML (M3)
☐ RUNX1::RUNX1T1 bei (V.a.) AML

Translokationen Verlaufskontrolle

☐ BCR::ABL (Quantifizierung des Major-Produkts)
☐ PML::RARA
☐ RUNX1::RUNX1T1 *

Gene oder Translokationen können selbstverständlich auch einzeln angefordert werden (siehe Seite 3 und 4). Diese bitte unter „weitere Parameter“ angeben.

Einzelgenanalysen Nachweis/Ausschluss

☐ ATM-Deletion (11q22, FISH) *bei (V.a.) B-NHL, Prognosefaktor CLL*
☐ BRAF V600E * *bei (V.a.) Haarzellleukämie*
☐ B-Zellklonalitätsanalyse *bei (V.a.) B-Zelllymphom*
☐ Calretikulin *bei (V.a.) MPN*
☐ CSF3R *bei (V.a.) CNL*
☐ CLL-prognostisches Panel *bei bekannter CLL, Prognose (TP53 FISH+Sequenzierung, ATM-Deletion, DLEU-Deletion, Trisomie 12)*
☐ CXCR4 * *bei (V.a.) Morbus Waldenström*
☐ DLEU-Deletion (13q14, FISH) *bei (V.a.) B-NHL, Prognosefaktor CLL*
☐ FLT3-ITD und FLT3-TKD (Aminosäure 835+836) *bei ED AML*
☐ IGHV-Mutationsstatus * *Prognosefaktor CLL*
☐ JAK2 V617F *bei (V.a) MPN*
☐ JAK2 Exon 12 *bei (V.a) MPN (PV)*
☐ JAK2 Stufendiagnostik *bei (V.a.) PV* (JAK2 V617F → JAK2 Exon 12)
☐ JAK2 Exon 12-15 *bei (V.a.) MPN*
☐ KIT D816V * *bei (V.a.) Mastozytose*
☐ MPL W515 *bei (V.a.) MPN*
☐ MPL Exon 3, 4, 10, 12 bei (V.a.) MPN
☐ MPN-Stufendiagnostik *bei (V.a.) MPN* (JAK2 V617F → Calretikulin → MPL W515)
☐ MYD88 * *bei (V.a.) Morbus Waldenström*
☐ SF3B1 *bei (V.a.) MDS, AML*
☐ TP53-Deletion (del17p, FISH) *bei (V.a.) B-NHL, Prognosefaktor CLL*
☐ TP53-Punktmutationen (Sequenzierung) *Prognosefaktor AML, MM, B-NHL z.B. CLL*
☐ TP53-Stufendiagnostik *Prognosefaktor B-NHL z.B. CLL (del17p → TP53-Punktmutationen)*
☐ Trisomie 12 (FISH) *bei (V.a.) B-NHL, Prognosefaktor CLL*
☐ T-Zellklonalitätsanalyse *bei (V.a.) T-Zelllymphom*

Einzelgenanalysen Verlaufskontrolle

☐ FLT3-ITD
☐ FLT3-TKD (Aminosäuren 835, 836)
☐ NPM1 *

Weitere Parameter ☐ Ausschluss ☐ Verlaufskontrolle

_____

_____

* Fremdversand, Probenannahme bis 15 Uhr

MVZ für Laboratoriumsmedizin und Mikrobiologie Koblenz - Mittelrhein
Dr. med. Dipl.-Chem. Rüdiger Walscheid
Laboratoriumsmedizin • Mikrobiologie • Infektionsepidemiologie • Bluttransfusionswesen • Hämostaseologie
Viktoriastraße 35-39 • 56068 Koblenz • Tel.: 0261 30405-0 • Fax: 0261 30405-944 • www.labor-koblenz.de

Untersuchungsauftrag genetische Analysen für Hämato-Onkologie

AML-DNA-Panel inkl. Translokationen (Döhner et al., Blood 2022; DGHO-Leitlinie 09/2022)

DNA-Gene:

ABL1 (NM_005157.5, Exon 4-9), ASXL1 (NM_015338.5, CDS), BCOR (NM_001123385.1, CDS), BRAF (NM_004333.4, Exon 1-4,6,8,11,15,17,18), CALR (NM_004343.3, CDS), CBL (NM_005188.3, Exon 8-9), CEBPA (NM_004364.4, CDS), CSF3R (NM_156039.3, Exon 14,17,18), DNMT3A (NM_022552.4, Exon 11-23), ETV6 (NM_001987.4, CDS), EZH2 (NM_004456.4, CDS), FLT3 (NM_004119.2, Exon 8,11,13-16,20,23,24) GATA2 (NM_032638.4, Exon 4-5), HRAS (NM_001130442.1, Exon 2-3), IDH1 (NM_005896.3, Exon 4), IDH2 (NM_002168.3, Exon 4), IKZF1 (NM_006060.4, CDS ohne Exon 6), JAK2 (NM_004972.3, Exon 12-15), KIT (NM_000222.2, Exon 1,2,8-11,13,17), KRAS (NM_033360.3, Exon 2-5), MPL (NM_005373.2, Exon 3,4,10,12), MYD88 (NM_001172567.1, Exon 2-5), NF1 (NM_001042492.2, CDS), NPM1 (NM_002520.6, Exon 11), NRAS (NM_002524.4, Exon 2-4), PHF6 (NM_032458.2, CDS), PRPF8 (NM_006445.3, CDS), PTPN11 (NM_002834.3, Exon 3,12,13), RB1 (NM_000321.2, CDS), RUNX1 (NM_001754.4, CDS), SETBP1 (NM_015559.2, Exon 4), SF3B1 (NM_012433.3, Exon 14-21), SH2B3 (NM_005475.2, CDS), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1), STAG2 (NM_001042749.2, CDS), TET2 (NM_001127208.2, CDS), TP53 (NM_000546.5, CDS), U2AF1 (NM_006758.2, Exon 2,6), WT1 (NM_024426.4, Exon 7,8), ZRSR2 (NM_005089.3, CDS)

Translokationen:

ABL::BCR, ABL::CABIN1, ABL::EML1, ABL::FOXP1, ABL::INPP5D, ABL::PRDM12, ABL::RALGPS1, ABL::RANBP2, ABL::RCSD1, ABL::SFPQ, ABL::SNX2, ABL::SPECC1L, ABL::ZMIZ1, ALK::MROH2B, BCL2::AFF3, BRAF::AGAP3, BRAF::AGK, BRAF::AGTRAP, BRAF::AKAP9, BRAF::AP3B1, BRAF::ARMC10, BRAF::ATG7, BRAF::BCL2L11, BRAF::BTF3L4, BRAF::C7orf73, BRAF::CCDC91, BRAF::CCNY, BRAF::CDC27, CBRAF::EP89, BRAF::CLCN6, BRAF::CUL1, BRAF::CUX1, BRAF::DYNC1I2, BRAF::EPS15, BRAF::FAM114A2, BRAF::FAM131B, BRAF::FCHSD1, BRAF::GATM, BRAF::GHR, BRAF::GNAI1, BRAF::GTF2I, BRAF::HERPUD1, BRAF::KCTD7, BRAF::KDM7A, BRAF::KIAA1549, BRAF::KLHL7, BRAF::LSM12, BRAF::LSM14A, BRAF::MACF1, BRAF::MAD1L1, BRAF::MKRN1, BRAF::MYRIP, BRAF::MZT1, BRAF::NUB1, BRAF::NUDCD3, BRAF::PAPSS1, BRAF::PLIN3, BRAF::RAD18, BRAF::RBMS3, BRAF::RNF130, BRAF::RP2, BRAF::SLC12A7, BRAF::SLC45A3, BRAF::SND1, BRAF::SOX6, BRAF::STRN3, BRAF::TANK, BRAF::TAX1BP1, BRAF::TMEM178B, BRAF::TMPRSS2, BRAF::TRIM24, BRAF::TRIM4, BRAF::UBN2, BRAF::ZC3HAV1, BRAF::ZKSCAN5, BRAF::ZSCAN30, CCND1::FSTL3, CREBBP::KAT6A, CREBBP::KAT6B, EGFR::EGFR, ETV6::ABL1, ETV6::ABL2, ETV6::ACSL6, ETV6::ANLN, ETV6::ARNT, ETV6::ATP2B1, ETV6::CDX2, ETV6::CHIC2, ETV6::DUSP16, ETV6::FGFR3, ETV6::FLT3, ETV6::FRK, ETV6::GOT1, ETV6::INO80D, ETV6::ITPR2, ETV6::JAK2, ETV6::LRP6, ETV6::LYN, ETV6::MECOM, ETV6::MN1, ETV6:: NCOA2, ETV6::NTRK2, ETV6::NTRK3, ETV6::PDGFRA, ETV6::PDGFRB, ETV6::PER1, ETV6::PRDM16, ETV6::PTPRR, ETV6::RUNX1, ETV6::SYK, FGFR1::ADAM32, FGFR1::BAG4, FGFR1::BCR, FGFR1::CNTRL, FGFR1::CPSF6, FGFR1::CUX1, FGFR1::ERVK3_1, FGFR1::FGFR1OP, FGFR1::FGFR1OP2, FGFR1::FN1, FGFR1::HOOK3, FGFR1::LRRFIP1, FGFR1::MYO18A, FGFR1::RANBP2,FGFR1::SQSTM1, FGFR1::TACC1, FGFR1::TPR, FGFR1::TRIM24, FGFR1::WHSC1L1, FGFR1::ZMYM2, FGFR2::CCDC6; FUS::DDIT3, HMGA2::FHIT, HMGA2::LPP, HMGA2::RAD51B, JAK2::ATF7IP, JAK2::BCR, JAK2::BICD2, JAK2::EBF1, JAK2::OFD1, JAK2::PAX5, JAK2::PCM1, JAK2::PPFIBP1, JAK2::SEC31A, JAK2::SPAG9, JAK2::SSBP2, JAK2::STRN3, JAK2::TERF2, JAK2::TPM3, JAK2::TPR, KMT2A::ABI1, KMT2A::ABI2, KMT2A::ACACA, KMT2A::ACER1, KMT2A::ACTN4, KMT2A::ADARB2, KMT2A::AFF1, KMT2A::AFF3, KMT2A::AFF4, KMT2A::APBB1IP, KMT2A::ARHGAP26, KMT2A::ARHGEF12, KMT2A::ARHGEF17, KMT2A::ATG16L2, KMT2A::BTBD18, KMT2A::c11orf88, KMT2A::CASC5, KMT2A::CASP8AP2, KMT2A::CBL, KMT2A::CDK6, KMT2A::CEP170B, KMT2A::CREBBP, KMT2A::CT45A2, KMT2A::DAB2IP, KMT2A::DCP1A, KMT2A::DCPS, KMT2A::ELL, KMT2A::ENAH, KMT2A::EP300, KMT2A::EPS15, KMT2A::FLNA, KMT2A::FNBP1, KMT2A::FOXO3, KMT2A::FOXO4, KMT2A::FRYL, KMT2A::GAS7, KMT2A::GMPS, KMT2A::GPHN, KMT2A::KIAA1524, KMT2A::LASP1, KMT2A::LPP, KMT2A::MAML2, KMT2A::MAPRE1, KMT2A::MEF2C, KMT2A::MLLT1, KMT2A::MLLT10, KMT2A::MLLT11, KMT2A::MLLT3, KMT2A::MLLT4, KMT2A::MLLT6, KMT2A::MYH11, KMT2A::MYO18A, KMT2A::MYO1F, KMT2A::NCKIPSD, KMT2A::NEBL, KMT2A::NKAIN2, KMT2A::NRIP3, KMT2A::NUP98, KMT2A::PDS5A, KMT2A::PICALM, KMT2A::RABGAP1L, KMT2A::RNF115, KMT2A::RPS3, KMT2A::SARNP, KMT2A::SEPT11, KMT2A::SEPT2, KMT2A::SEPT5, KMT2A::SEPT6, KMT2A::SEPT9, KMT2A::SH3GL1, KMT2A:: SMAP1, KMT2A::SORBS2, KMT2A::TECR, KMT2A::TET1, KMT2A::TIRAP, KMT2A::TOP3A, KMT2A::USP2, KMT2A::UVRAG, KMT2A::ZFYVE19, MECOM::PSMD2, MET::KIF5B, MLLT10::DDX3X, MLLT10::HNRNPH1, MLLT10::NAP1L1, MLLT10::NUP98, MLLT10::PICALM, MLLT3::PAX5, MYBL1::C8orf34, MYH11::CBFB, NTRK3::COX5A, NUP214::ABL1, NUP214::BRAF, NUP214::DEK, NUP214::XKR3, NUP214::SET, PDGFRA::BCR, PDGFRA::CDK5RAP2, PDGFRA::FIP1L1, PDGFRA::FOXP1, PDGFRA::KDR, PDGFRA::KIF5B, PDGFRA::SCAF11, PDGFRA::STRN, PDGFRA::TNKS2, PDGFRB::ATF7IP, PDGFRB::BIN2, PDGFRB::CAPRIN1, PDGFRB::CCDC6, PDGFRB::CCDC88C, PDGFRB::CEP85L, PDGFRB::CPSF6, PDGFRB::DTD1, PDGFRB::EBF1, PDGFRB::ERC1, PDGFRB::GIT2, PDGFRB::GOLGA4, PDGFRB::GOLGB1, PDGFRB::HIP1, PDGFRB::KANK1, PDGFRB::MPRIP, PDGFRB::MYO18A, PDGFRB::NDE1, PDGFRB::NIN, PDGFRB::PDE4DIP, PDGFRB::PRKG2, PDGFRB::RABEP1, PDGFRB::SART3, PDGFRB::SPECC1, PDGFRB::TNIP1, PDGFRB::TP53BP1, PDGFRB::TPM3, PDGFRB::TRIP11, PDGFRB::WDR48, PDGFRB::ZEB2, RARA::ADAMTS17, RARA:: BCOR, RARA::FIP1L1, RARA::IRF2BP2, RARA::NABP1, RARA::NPM1, RARA::NUMA1, RARA::PML, RARA::PRKAR1A, RARA::STAT5B, RARA::TBL1XR1, RARA::ZBTB16, RBM15::MKL1, RUNX1::AFF3, RUNX1::CBFA2T2, RUNX1::CBFA2T3, RUNX1::CEP76, RUNX1::CLCA2, RUNX1::EVX1, RUNX1::KIAA1549L, RUNX1::LPXN, RUNX1::MACROD1, RUNX1::MECOM, RUNX1::MRPS6, RUNX1::NOL4L, RUNX1::PRDM16, RUNX1::PRDX4, RUNX1::RPL22, RUNX1::RUNX1T1,RUNX1::SH3D19,RUNX1::TRPS1,RUNX1::USP16, RUNX1::USP42, RUNX1::YTHDF2,RUNX1::ZFPM2, RUNX1::ZNF687, TCF3::HLF, TCF3::PBX1, TCF3::TFPT, TCF3::ZNF384, TFE3::GRIPAP1, TFE3::SFPQ

Aplastisches Anämie Panel (Yoshizato et al., NEJM 2015)

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), BCOR (NM_001123385.1, CDS), DNMT3A (NM_022552.4, Exon 11-23), BCORL1*, PIGA*
* Fremdversand

CMML-Panel (Arber et al., Blood 2016; DGHO-Leitlinie 05/2022)

DNA-Gene:

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), CBL (NM_005188.3, Exon 8-9), CALR (NM_004343.3, CDS), DNMT3A (NM_022552.4, Exon 11-23), EZH2 (NM_004456.4, CDS), IDH1 (NM_005896.3, Exon 4), IDH2 (NM_002168.3, Exon 4), JAK2 (NM_004972.3, Exon 12-15), KRAS (NM_033360.3, Exon 2-5) MPL (NM_005373.2, Exon 3,4,10,12), NRAS (NM_002524.4, Exon 2-4), RUNX1 (NM_001754.4, CDS), SETBP1 (NM_015559.2, Exon 4), SF3B1 (NM_012433.3, Exon 14-21), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1), TET2 (NM_001127208.2, CDS), TP53 (NM_000546.5, CDS), U2AF1 (NM_006758.2, Exon 2,6)

Translokationen:

ABL::BCR, FGFR1-Translokationen, PCM1::JAK2, PDGFRA-Translokationen, PDGFRB-Translokationen

CMML-Prognose-Panel (DGHO-Leitlinie 05/2022)

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), NRAS (NM_002524.4, Exon 2-4), RUNX1 (NM_001754.4, CDS), SETBP1 (NM_015559.2, Exon 4), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1)

ET-Prognose Panel (Tefferi et al., Blood Adv. 2016)

EZH2 (NM_004456.4, CDS), IDH2 (NM_002168.3, Exon 4), SF3B1 (NM_012433.3, Exon 14-21), SH2B3 (NM_005475.2, CDS), TP53 (NM_000546.5, CDS), U2AF1 (NM_006758.2, Exon 2,6)

MVZ für Laboratoriumsmedizin und Mikrobiologie Koblenz - Mittelrhein
Dr. med. Dipl.-Chem. Rüdiger Walscheid
Laboratoriumsmedizin • Mikrobiologie • Infektionsepidemiologie • Bluttransfusionswesen • Hämostaseologie
Viktoriastraße 35-39 • 56068 Koblenz • Tel.: 0261 30405-0 • Fax: 0261 30405-944 • www.labor-koblenz.de

Untersuchungsauftrag genetische Analysen für Hämato-Onkologie

MDS-DNA-Panel (Bejar et al. J. Clin Oncol. 2014 und Blood 2015; Ogawa et al., Blood 2019; DGHO-Leitlinie, 03/2021)

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), BCOR (NM_001123385.1, CDS), CALR (NM_004343.3, CDS), CBL (NM_005188.3, Exon 8-9), CEBPA (NM_004364.4, CDS), CSF3R (NM_156039.3, Exon 14,17,18), DNMT3A (NM_022552.4, Exon 11-23), ETV6 (NM_001987.4, CDS), EZH2 (NM_004456.4, CDS), GATA2 (NM_032638.4, Exon 4-5), IDH1 (NM_005896.3, Exon 4), IDH2 (NM_002168.3, Exon 4), JAK2 (NM_004972.3, Exon 12-15), KIT (NM_000222.2, Exon 1,2,8-11,13,17), KRAS (NM_033360.3, Exon 2-5), MPL (NM_005373.2, Exon 3,4,10,12), NF1 (NM_001042492.2, CDS), NRAS (NM_002524.4, Exon 2-4), PHF6 (NM_032458.2, CDS), PTPN11 (NM_002834.3, Exon 3,12,13), RUNX1 (NM_001754.4, CDS), SF3B1 (NM_012433.3, Exon 14-21), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1), STAG2 (NM_001042749.2, CDS), TET2 (NM_001127208.2, CDS), TP53 (NM_000546.5, CDS), U2AF1 (NM_006758.2, Exon 2,6), ZRSR2 (NM_005089.3, CDS)

MPN-Triple negativ Panel (Passamonti et al., Haematology 2016; DGHO-Leitlinie 09/2021; Langabeer, JAK-STAT 2016; Loscocco, OncoTargets and Therapy 2020)

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), CBL (NM_005188.3, Exon 8-9), DNMT3A (NM_022552.4, Exon 11-23), EZH2 (NM_004456.4, CDS), IDH1 (NM_005896.3, Exon 4), IDH2 (NM_002168.3, Exon 4), JAK2 (NM_004972.3, Exon 12-15), KRAS (NM_033360.3, Exon 2-5), MPL (NM_005373.2, Exon 3,4,10,12), NRAS (NM_002524.4, Exon 2-4), RUNX1 (NM_001754.4, CDS), SF3B1 (NM_012433.3, Exon 14-21), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1), TET2 (NM_001127208.2, CDS), U2AF1 (NM_006758.2, Exon 2,6)

Multiples Myelom Panel (Perrot et al., Am Soc Clin Oncol Educ Book 2018)

BRAF (NM_004333.4, Exon 1-4,6,8,11,15,17,18), KRAS (NM_033360.3, Exon 2-5), NRAS (NM_002524.4, Exon 2-4), TP53 (NM_000546.5, CDS)

Neoplasie mit Eosinophilie Panel inkl. Prognose (DGHO-Leitlinie, 11/2020)

DNA-Gene:

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), EZH2 (NM_004456.4, CDS), RUNX1 (NM_001754.4, CDS), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1), SETBP1 (NM_015559.2, Exon 4)

Translokationen:

FGFR1-Translokationen, PCM1::JAK2 Translokation, PDGFRA-Translokationen, PPDGFRB-Translokationen,

PMF-Prognose Panel (DGHO-Leitlinie, 12/2021)

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), EZH2 (NM_004456.4, CDS), IDH1 (NM_005896.3, Exon 4), IDH2 (NM_002168.3, Exon 4), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1), TP53 (NM_000546.5, CDS), U2AF1 (NM_006758.2, Exon 2,6)

PV-Prognose Panel (Grinfield et al., NEJM 2018; Tefferi et al., Blood Adv. 2016; DGHO-Leitlinie, 08/2021)

ASXL1 (NM_015338.5, CDS), DNMT3A (NM_022552.4, Exon 11-23), EZH2 (NM_004456.4, CDS), IDH1 (NM_005896.3, Exon 4), IDH2 (NM_002168.3, Exon 4), SRSF2 (NM_003016.4, Exon 1), TET2 (NM_001127208.2, CDS), TP53 (NM_000546.5, CDS)

MVZ für Laboratoriumsmedizin und Mikrobiologie Koblenz - Mittelrhein
Dr. med. Dipl.-Chem. Rüdiger Walscheid
Laboratoriumsmedizin • Mikrobiologie • Infektionsepidemiologie • Bluttransfusionswesen • Hämostaseologie
Viktoriastraße 35-39 • 56068 Koblenz • Tel.: 0261 30405-0 • Fax: 0261 30405-944 • www.labor-koblenz.de

Einverständniserklärung (Hämato-Onkologie)

zur Chromosomenanalyse, Molekulargenetik (Untersuchung einzelner Gene), Immunphänotypisierung, Morphologie, zur Aufbewahrung des Untersuchungsmaterials und zur Datenverarbeitung für wissenschaftliche Zwecke.

Um den Verdacht einer Blut- bzw. Knochenmarkserkrankung bei Ihnen abzuklären, die sich möglicherweise durch Erbgutveränderungen entwickelt hat, darf das von Ihnen abgenommene Material zur genaueren Analyse von dem o.g. Labor untersucht und/oder an ein anderes spezialisiertes Labor weitergeleitet werden. Dabei besteht die Möglichkeit, dass in Einzelfällen evtl. Zusatzbefunde (u. a. angeborene chromosomale Auffälligkeiten) erhoben werden können, die nicht mit der Auftragsuntersuchung in Zusammenhang stehen. Über die Bedeutung und mögliche Konsequenzen dieser Untersuchungen wurden Sie daher von Ihrem behandelnden Arzt aufgeklärt.
Dabei möchten Sie über eventuell erhobene Zusatzbefunde informiert werden (keine Auswahl wird als "Nein" gewertet):

☐ Nein

☐ Ja

☐ Nur, wenn sich dadurch therapeutische oder vorbeugende Maßnahmen ergeben.

Ich erkläre mich darüber hinaus damit einverstanden (Nichtzutreffendes bitte durchstreichen),

- dass die vom zuständigen Arzt empfohlene Analyse zur weiteren Abklärung durchgeführt wird.
- dass überschüssiges Material zum Zwecke der Nachprüfbarkeit der Ergebnisse und Nachanforderungen durch Ihren Arzt aufbewahrt wird.
- dass das Material neben der Qualitätssicherung auch für Forschungs- und Entwicklungsarbeit verwendet werden kann. Letzteres kann zur Verbesserung und Erweiterung der Krebsdiagnostik beitragen sowie neue therapeutische Ansätze identifizieren und/oder überprüfen. Dabei werden im Falle wissenschaftlicher Veröffentlichungen (ggf. mit wissenschaftlichen Kooperationspartnern) Ihre Daten ausschließlich in anonymisierter bzw. pseudonymisierter Form verwendet.
- dass gemäß gesetzlichen Regelungen die Aufbewahrungsfrist der Ergebnisse 10 Jahre beträgt.
- dass für Daten, welche für wissenschaftliche Zwecke erhoben wurden, keine Löschung vorgesehen ist.

Alle Ihre Angaben sowie die Untersuchungsergebnisse unterliegen der ärztlichen Schweigepflicht. Die von uns erhobenen Ergebnisse werden Ihnen von Ihrem behandelnden Arzt bzw. mitbehandelnden Ärzten mitgeteilt.

Es steht Ihnen zu jeder Zeit frei, die Einwilligungserklärung zu widerrufen oder von der Mitteilung der Untersuchungsergebnisse Abstand zu nehmen.

_____ _____
Name, Vorname des Patienten Geburtsdatum des Patienten

_____
Name, Vorname des gesetzlichen Vertreters

_____ _____
Ort, Datum Unterschrift des Patienten/gesetzlichen Vertreters

Die Einverständniserklärung für Hämato-Onkologie als Einzeldokument finden Sie auf unserer Homepage: https://labor-koblenz.de/downloads unter Anforderungsscheine mit der Nummer: QM-AS-125

MVZ für Laboratoriumsmedizin und Mikrobiologie Koblenz - Mittelrhein
Dr. med. Dipl.-Chem. Rüdiger Walscheid
Laboratoriumsmedizin • Mikrobiologie • Infektionsepidemiologie • Bluttransfusionswesen • Hämostaseologie
Viktoriastraße 35-39 • 56068 Koblenz • Tel.: 0261 30405-0 • Fax: 0261 30405-944 • www.labor-koblenz.de

Einverständniserklärung (nach § 8 GenDG)

(bei V. a. hereditäre Erkrankung)

abzuklärende Fragestellung/Genanalyse:

Hiermit erkläre ich mich mit der genetischen Untersuchung zur Abklärung der oben genannten Fragestellung sowie der Gewinnung der dafür erforderlichen Probe einverstanden. Die durchzuführende Untersuchung richtet sich gezielt auf die oben genannte Verdachtsdiagnose und lässt keine Aussage über andere Erkrankungen zu. Unerwartete Nebenbefunde sind allerdings möglich. Dabei möchte ich über eventuell erhobene Zusatzbefunde informiert werden (keine Auswahl wird als "Nein" gewertet):

☐ Nein

☐ Ja

☐ Nur, wenn sich dadurch therapeutische oder vorbeugende Maßnahmen ergeben.

Ich wurde über die zu untersuchende Erkrankung bzw. Anlageträgerschaft informiert. Über Wesen, Bedeutung und Tragweite der genetischen Analyse bin ich aufgeklärt worden. Eine ausreichende Bedenkzeit wurde mir eingeräumt.

Darüber hinaus erkläre ich mich damit einverstanden (Nicht Zutreffendes bitte streichen),

- dass überschüssiges Untersuchungsmaterial für eine spätere Nachprüfbarkeit der Ergebnisse, Nachanforderungen durch meinen Arzt, Maßnahmen zur Sicherung oder Verbesserung der Qualität der durchzuführenden Analytik und in anonymisierter bzw. pseudonymisierter Form für Forschungszwecke (z. B. für die Verbesserung und Erweiterung der Diagnostik oder Identifikation/Überprüfung von neuen therapeutischen Ansätzen) aufbewahrt und verwendet werden darf.
- dass die Ergebnisse gemäß gesetzlichen Regelungen 10 Jahre archiviert werden. Für Daten, die ggf. im Rahmen wissenschaftlicher Zwecke erhoben wurden, ist keine Löschung vorgesehen.
- dass meine Befunde auch an mitbehandelnde Ärzte weitergeleitet werden dürfen. Alle Informationen unterliegen dabei selbstverständlich der ärztlichen Schweigepflicht.
- dass das Untersuchungsmaterial ggf. zur Analytik an ein mit dem MVZ kooperierendes Labor weitergeleitet wird.

Es steht mir frei, dass ich diese Einwilligungserklärung jederzeit und ohne Angabe von Gründen widerrufen oder von der Mitteilung des Untersuchungsergebnisses Abstand nehmen kann.

_____ _____

Name, Vorname des Patienten | Geburtsdatum des Patienten

_____

Name, Vorname des gesetzlichen Vertreters

_____

Ort, Datum und Unterschrift des Patienten/des gesetzlichen Vertreters

Eine Aufklärung gemäß Gendiagnostikgesetz hat stattgefunden durch:

_____ _____

Name/Vorname des behandelnden Arztes bzw. des aufklärenden Arztes | Unterschrift und Stempel des behandelnden Arztes

Die Einverständniserklärung (nach § 8 GenDG) als Einzeldokument finden Sie auf unserer Homepage: https://labor-koblenz.de/downloads unter Anforderungsscheine mit der Nummer: QM-AS-054